IPAM in silico - 2022



Corso teorico-pratico sull'applicazione dei metodi computazionali nel Replacement

Programma

Lunedì 9 maggio 2022, ore 09.30 - 13.30

Antonio FACCHIANO

IDI-IRCCS

DBsearch − **1**, database searching

Lunedì 16 maggio 2022, ore 09.30 - 13.30

Pietro COZZINI, Federica AGOSTA

Università degli Studi di Parma

MolDock – **1**, modelling interactions by molecular docking – a tool for structure-based drug discovery and toxicology

Lunedì 23 maggio 2022, ore 09.30 - 13.30

Chiara Laura BATTISTELLI, Cecilia BOSSA, Olga TCHEREMENSKAIA

Istituto Superiore di Sanità (ISS)

QSAR – 1, the QSAR toolbox –

a free software application to support chemical hazard identification

Lunedì 30 maggio 2022, ore 09.30 - 13.30

Orazio NICOLOTTI, Fulvio CIRIACO, Nicola GAMBACORTA, Daniela TRISCIUZZI

Università degli Studi di Bari

QSAR – 2, PLATO: a drug discovery platform for target fishing and bioactivity prediction

Lunedì 06 giugno 2022, ore 09.30 - 13.30

Emilio BENFENATI, Alessandra RONCAGLIONI, Gianluca SELVESTREL

Istituto Ricerche Farmacologiche Mario Negri (IRFMN)

QSAR – 3, the VEGAHUB tools

Comitato organizzatore:

Maurilio Calleri (LIMAV Italia OdV), Francesca Caloni (Università degli Studi di Milano), Isabella De Angelis (ISS), Cristina Maria Failla (IDI-IRCCS), Paola Granata (Federchimica – Aispec –Gruppo MAPIC), Michela Kuan (LAV), Stefano Lorenzetti (ISS), Francesco Nevelli (Merck KGaA), Augusto Vitale (ISS)

L'evento si terrà da remoto sulla piattaforma Teams. La partecipazione è limitata a 20 iscritti previa adesione come socio a IPAM Per iscriversi: https://www.ipamitalia.org/form-iscrizione/

